



附表 1

完成人合作关系说明

1. 俞嘉宁，第一完成人，负责项目总体设计和组织实施。主要负责 RNA 编辑的进化规律、重要编辑位点的功能及 RNA 编辑分子机制研究。对创新点 1、2 和 3 做出创造性贡献，是代表作 1、2、3、4、5 的通讯作者。
2. 何鹏，第二完成人，主要负责重要编辑位点的功能及 RNA 编辑分子机制研究。对创新点 1、2、3 做出创造性贡献，是代表作 2，4，5 的第一作者和代表作 1 的共同通讯作者。
3. 肖光辉，第三完成人，主要负责 RNA 编辑的进化规律和 RNA 编辑分子机制研究。对创新点 2 做出创造性贡献，是代表作 2 的共同第一作者和代表作 5 的共同通讯作者。
4. 霍昱竹，第四完成人，主要负责 RNA 编辑分子因子的筛选及功能鉴定。对创新点 2 和 3 做出创造性贡献，是代表作 1 的第一作者。
5. 程梦雪，第五完成人，主要负责 RNA 编辑因子的筛选及功能解析。对创新点 3 做出创造性贡献，是代表作 1 的共同第一作者。

第一完成人签名：



完成人合作关系情况汇总表

序号	合作方式	合作者/项目排名	合作起始时间	合作完成时间	合作成果	证明材料
1	论文合著	霍昱竹 (4) 程梦雪 (5) 何鹏 (2) 俞嘉宁 (1)	2021 年 09 月 1 日至 2024 年 06 月 30 日	2024 年 6 月	GhCTS1, a short per protein with a conserved role in chloroplast development and photosynthesi s, participates in intron splicing of rpoC1 and ycf3-2 transcripts in cotton	见代表作 1
2	论文合著	何鹏 (2) 肖光辉 (3) 俞嘉宁 (1)	2016 年 07 月 1 日至 2024 年 03 月 30 日	2018 年 2 月	Two pivotal RNA editing sites in the mitochondrial atp1mRNAare required for ATP synthase to produce sufficient ATP for cotton fiber cell elongation	见代表作 2
3	论文合著	何鹏 (2) 俞嘉宁 (1)	2011 年 09 月 1 日至今	2016 年 12 月	Abundant RNA editing sites of chloroplast protein-coding genes in Ginkgo biloba and an evolutionary pattern	见代表作 4



					analysis	
4	论 文 合 著	何 鹏 (2) 肖 光 辉 (3) 俞 嘉 宁 (1)	2016 年 07 月 1 日至 2024 年 03 月 30 日	2019 年 8 月	GhYGL1d, a pentatricopept ide repeat protein, is required for chloroplast development in cotton	见代表作 5
5						
不 限 条 目						

承诺：本人作为项目第一完成人，对本项目完成人合作关系及上述内容的真实性负责，特此声明。

第一完成人签名：

俞嘉宁